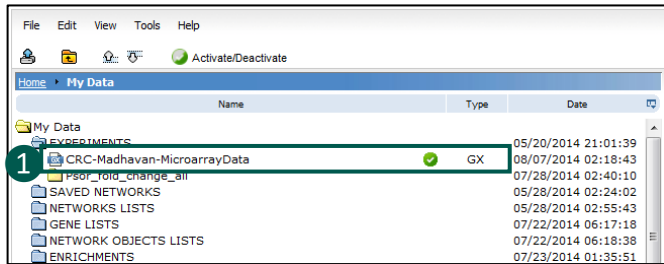


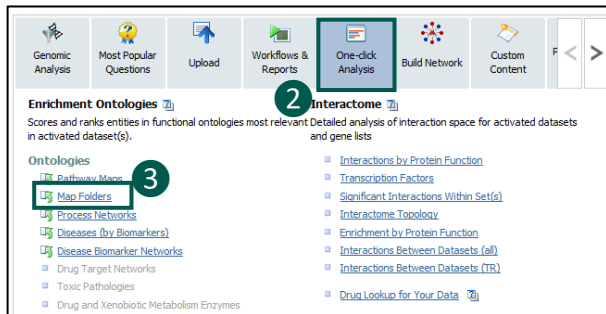
## 実験データのエンリッチメント解析 (Pathway Map Folders)

ここでは、[Pathway Map Folders]オントロジーを用いてエンリッチメント解析する方法をご紹介します。  
[Pathway Map Folders]オントロジーとは、MetaCoreに収録されるパスウェイマップを生物学的プロセスごとにグルーピングした、弊社独自のオントロジーです。このオントロジーを用いてパスウェイ解析を行うことにより、特定の疾患領域やプロセスごとでのメカニズムを検討することが可能です。

### 解析手順



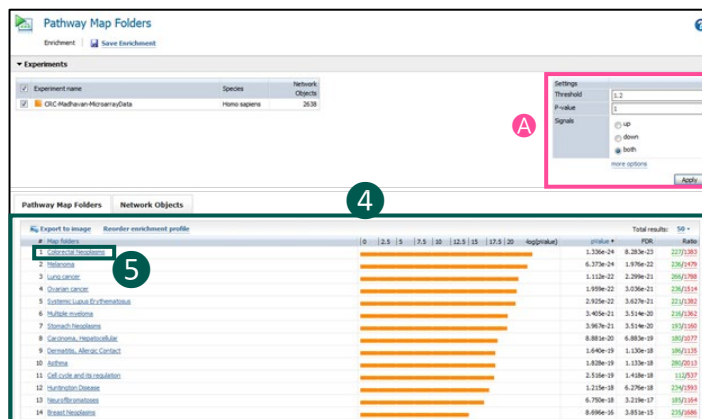
① 解析対象のデータをActivateする。



② Start Pageの[One-click Analysis]タブを選択。

③ [Map Folders]をクリック。

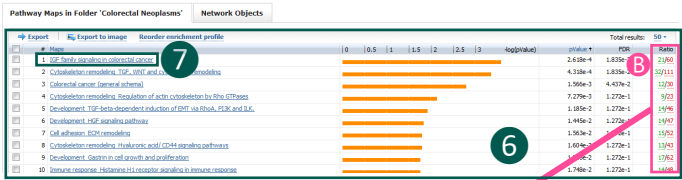
### 解析結果画面



④ 解析対象とした遺伝子群が含まれているMap FolderをP-value順に表示。

A Thresholdを設定できます。データに含まれる遺伝子数が多い場合はStart Pageで予め設定することを推奨します。（Quick Guide Series: No. 3参照）

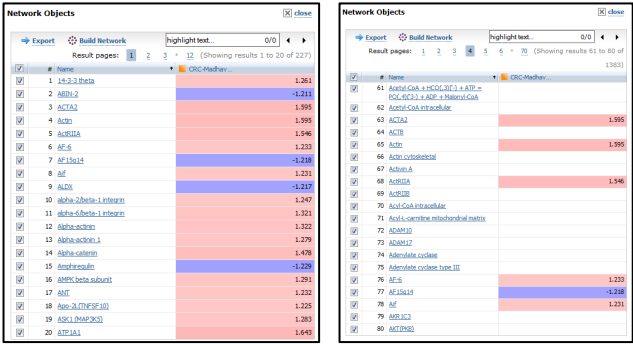
⑤ Map Folder名をクリック。



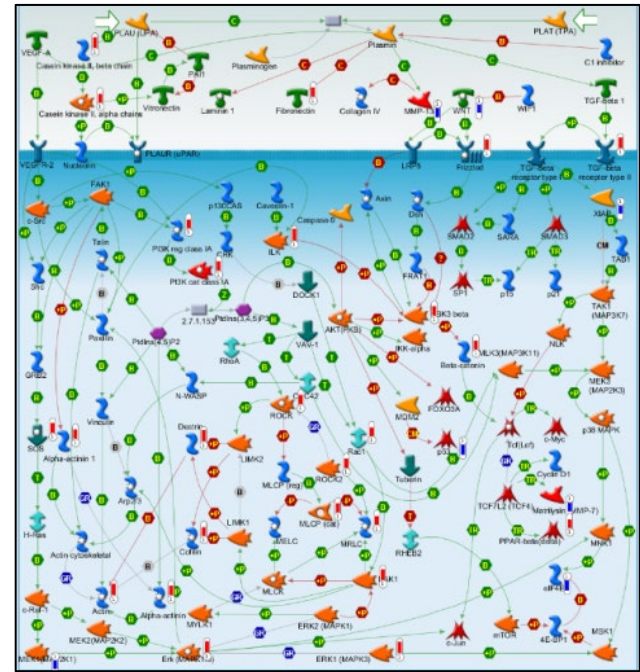
6 対象のMap Folderに含まれるPathway MapがP-value順にリストされます。

B Ratio列の数字をクリックすると、それぞれのPathway Mapに含まれる分子や、実験データに共通して含まれる分子及びその実験値のリストを確認できます。

7 マップ名をクリック。



8



8 Pathway Mapを表示  
Pathway Map画面で利用できる各種機能等についてはQuick Guide Series: No. 4をご参照ください。



クラリベイト・アナリティクス・ジャパン株式会社  
ライフサイエンス&ヘルスケア 事業部

〒107-6118 東京都港区赤坂5丁目2番20号赤坂パークビル18階

【製品に関する問い合わせ】クラリベイトカスタマーケア  
[ts.support.jp@clarivate.com](mailto:ts.support.jp@clarivate.com)