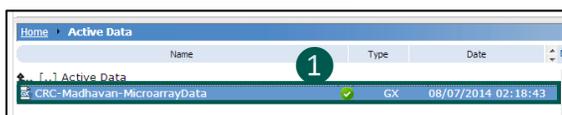


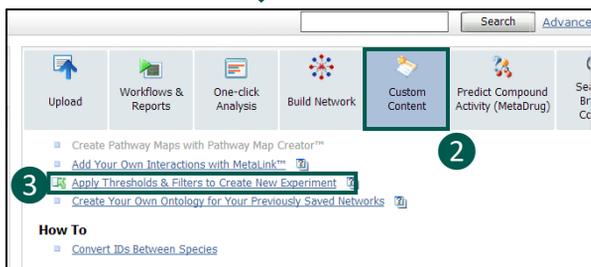
閾値を設定済みのデータを別ファイルで保存する方法

MetaCoreでは、解析のために設定した閾値等は、MetaCoreからログアウトした際（あるいは、実験データをインアクティブにした際）に自動的にリセットされ、オリジナルのデータセットに戻ります。ここでは、閾値等を設定した遺伝子発現データセットを別ファイルで保存する方法をご紹介します。

閾値の設定と保存の手順

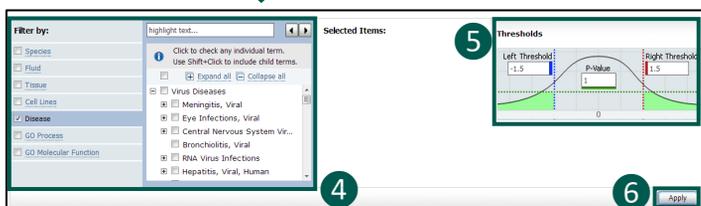


① 閾値を設定したいデータをアクティブ化します。



② Start Pageのタブから[Custom Content]を選択します。

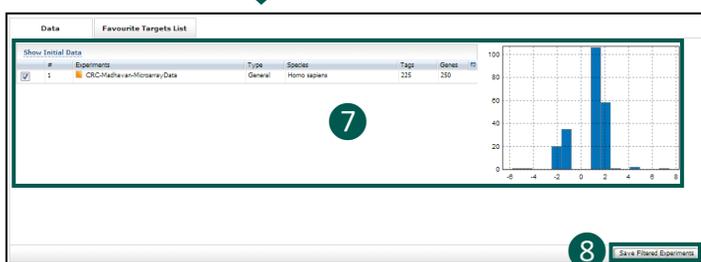
③ メニューから[Apply Thresholds & Filters to Create New Experiment]をクリックします。Filter Experimentsの設定画面が開きます。



④ [Filter by:]では各種フィルターを設定可能です。

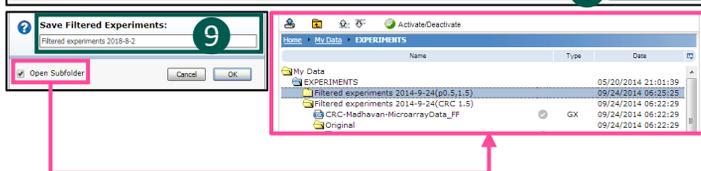
⑤ [Thresholds]では実験値及びp-valueのThresholdを設定可能です。

⑥ [Apply]をクリックします。



⑦ 設定した条件に該当する分子数及びその分布を表示します。

⑧ 設定に間違いがなければ[Save Filtered Experiments]をクリックします。



⑨ Saveするフォルダ名を指定し[OK]をクリックします。

A [Open Subfolder]にチェックが入っていると、[OK]をクリック後、自動的にMetaCoreのStart Pageに移行しSaveされたファイルを表示します。