



SequenceBase 最新情報 強化情報

2021年4月
クオリバイト



強化内容

- 検索

- BestSeqでUシンボルをサポート
- MSS検索で配列データファイルのアップロードが可能に
- キーワードのAND/OR/NOT検索
- アミノ酸置換の種類の幅を考慮したMOTIF検索
- 張り付けた配列から数字を自動的に削除

- 検索結果

- ホモロジーアライメントのミスマッチ箇所のハイライト
- ホモロジーアラインメントの色設定
- 検索結果フォルダのカスタマイズ
- 逆相補鎖カラムの追加
- 検索結果のOverviewの強化
- 検索結果に法的状況を表示・フィルタリング
- 検索後の配列記載箇所によるフィルタの強化（複数選択）
- GENESEQ FASTAlertでも配列記載箇所によるフィルタが可能

- エクスポート

- GENESEQ Keywordのエクスポート
- PDF形式・ワード形式のレポートにコメント入力

- 結果の保存

- マイフォルダ（My Folders）の新設
- 検索結果間の演算（AND OR NOT）
- 結果フォルダにアノテーション入力

- レコード表示

- NCBIのGenBankレコードへリンク
- SEQ IDのハイパーリンク
- 法的状況データ（特許の有効（Alive）/無効（Dead））の追加
- 特許引用データの収録
- GENESEQ FASTAlertレコードへ請求項追加

- その他

- ✓ ニュース・アップデートのお知らせ

検索

BestSeqでUシンボルをサポート

- ◆ BestSeqアルゴリズムでもUシンボルの配列に対応できるようになりました。

Search a nucleotide database using the BESTSeq® Search algorithm by a nucleotide query ?

BLAST ▾ Smith-Waterman ▾ MOTIF ▾ MSS ▾ Keyword BESTSeq® Nucleotide ▾

New search name: Templates ▾

Query Clear

Enter sequence(s) **upload from file, select previously used** or **choose from My Patents** ?

Query length: 51/10000

Database: **Select all** | **Clear all**

- ☒ **GENESEQ, a Clarivate Analytics brand**
- ☒ **USGENE®**

☐ Exclude my patents

☐ Exclude mega published applications (10,000 or more sequences)

MSS検索で配列データファイルのアップロードが可能に

- ◆ MSS検索をする際に、配列データを含むファイルをアップロードしてQueryを設定することが可能になりました。

The image shows a screenshot of the MSS search interface. The top navigation bar includes tabs for BLAST, Smith-Waterman, MOTIF, MSS Protein, Keyword, and BESTSeq. The main section is titled 'Query' and contains three input fields for sequences. A dialog box titled 'Upload sequence(s) from file' is open, showing a 'Sequence file:' input field and a 'Browse' button. The dialog also lists allowed file formats: .fasta, .fas, .fna, .ffn, .faa, .frn, or .txt. A green 'Upload sequence' button is at the bottom of the dialog. The background interface shows the 'Query' section with three input fields for sequences. The first field contains the sequence 'TDDDKENIERMKKYTCENDIELIISDEYKPCYYDALRLGLW' with a query length of 42/10000. The second field contains 'NEDEPTKLNRSIPQHNSNKVRTTEYVAPRELVEKELKQLWLNAQLQLPQLNSISAEFLY' with a query length of 60/10000. The third field contains 'GEYKIPYGSCVQKEFKQYRGTKKDWQ' with a query length of 26/10000. A 'Clear' button is visible in the top right of the 'Query' section.

キーワードのAND/OR/NOT検索

- ◆ キーワード検索でAND/OR/NOTの演算子を使えるようになりました。これにより複数の条件を自由に組み合わせて検索できます。AND/OR/NOTは大文字で入力します。

Search for text against patent and sequence databases

BLAST ▾ Smith-Waterman ▾ MOTIF ▾ MSS ▾ Keyword ▾ BEST ▾

New search name: Templates ▾

Enter search terms

	All Text ▾	
AND OR NOT	All Text ▾	
AND OR NOT	All Text ▾	

Database: Select all | Clear all

- ☒ GENES[®], a Clarivate Analytics brand
- ☒ USGENE[®]
- ☒ WOGENE
- ☐ GenBank[®]

Sequences type: Both ▾

Search

BLAST ▾ Smith-Waterman ▾ MOTIF ▾ MSS ▾ Keyword ▾ BESTSeq[®] ▾

New search name: Templates ▾

Enter search terms

	All Text ▾	(string1 OR (string2 AND string3)) AND string4	+ -
AND OR NOT	Title ▾	(string1 OR string2 OR string4) AND (NOT string3 AND NOT string5)	+ -

ALL=((string1 OR (string2 AND string3)) AND string4) OR TI=((string1 OR string2 OR string4) AND (NOT string3 AND NOT string5))

Enter search terms

	Assignee ▾	MONSANTO TECHNOLOGY	+ -
AND OR NOT	Assignee ▾	Novartis	+ -
AND OR NOT	Assignee ▾	SAMSUNG	+ -

PA=(MONSANTO TECHNOLOGY) OR PA=(Novartis) OR PA=(SAMSUNG)

アミノ酸置換の種類の幅を考慮したMOTIF検索

- ◆ アミノ酸置換の種類の幅を考慮してMOTIF検索することができます。また置換位置は好きな色に設定できます。

BLAST ▾ Smith-Waterman ▾ MOTIF Protein ▾ MSS ▾ Keyword ▾ BESTSeq® ▾

New search name: [Templates ▾](#)

Query [Clear](#)

Enter MOTIF query [upload from file](#), [select previously used](#) [?](#)

例 : X1HX2TLX2X2X2X2QX2X2DE

Query length: 0

Database: [Select all](#) | [Clear all](#)

☒ **GENESEQ, a Clarivate Analytics brand**

☒ **USGENE®**

☒ **WOGENE**

☐ **GenBank®**

☐ Exclude mega published applications (10,000 or more sequences)

Exclude folder documents:

Target Sequence Length Min:

例 X1 : W / Y / T
X2 : すべてのアミノ酸

▼ **Amino acid substitutions**

☐ X1 3 items selected

☐ X2 20 items selected

[Add new substitution](#)

[Select All](#) [Deselect All](#)

Sulphur-containing

Cysteine C

Methionine M

Aromatic

Phenylalanine F

Tryptophan W ✓

Tyrosine Y ✓

Hydroxylic

Serine S

Threonine T ✓

3 items selected

アミノ酸置換の種類の幅を考慮したMOTIF検索の結果

◆ 置換位置はハイライトされます。

Showing 1 to 18 of 18 entries

☐	↕ SEQUENCE KEY	↕ MOLECULE TYPE	↕ ORGANISM	↕ LENGTH	↕ DOCUM
☐	SBNP0004EAU9	Protein	Dictyostelium discoideum	99	7
Identical Sequence Appears in 7 documents (6 Applications + 1 Patent + 0 Unknown).					
ALIGNMENT LENGTH		ALIGNMENT			
14		Sbjct: 45 YHATL YQNQLFDE 58		Sbjct: 58 ED FLDQRYLT QHY 45	
☐	SBNP0002PHQ6	Protein	Brassica napus	103	9
Identical Sequence Appears in 9 documents (7 Applications + 2 Patents + 0 Unknown).					
ALIGNMENT LENGTH		ALIGNMENT			
14		Sbjct: 78 YHATL QHVQQLSDE 91		Sbjct: 91 ED SQQ QVHQLT QHY 78	
☐	SBNP0002PI1A	Protein	Brassica napus	114	9
Identical Sequence Appears in 9 documents (7 Applications + 2 Patents + 0 Unknown).					
ALIGNMENT LENGTH		ALIGNMENT			
14		Sbjct: 78 YHATL QHVQQLSDE 91		Sbjct: 91 ED SQQ QVHQLT QHY 78	

張り付けた配列から数字を自動的に削除

- ◆ クエリーの配列に数字が含まれている場合、それらを削除できます。

BLAST ▼ Smith-Waterman Protein ▼ MOTIF ▼ MSS ▼ Keyword BESTSeq® ▼

New search name: Templates ▼

Query Delete Illegal Characters

Enter sequence(s) **upload from file**, **select previously used** or **choose from Project Folders**

```
1 metpaqlfl lllwlpdtg diqmtqspss lsaslgervs ltrcasqdig
51 gnlywlqagp dgtikrliya tssldsgvpk rfsgrsgsd ysltissles
101 edfvdyyclq yssspwtfgg gtleikrtv aapsvfifpp sdeqlksgta
151 svvcilnnfy preakvqkv dnalqsgnsq esvteqdsd styslsstlt
201 lskadyekhk vyacevthqg lsspvtksfm rgec
```

Query length: 0/10000

↓

Query Delete Illegal Characters

Enter sequence(s) **upload from file**, **select previously used** or **choose from Project Folders** ?

```
metpaqlfl lllwlpdtg diqmtqspss lsaslgervs ltrcasqdig
gnlywlqagp dgtikrliya tssldsgvpk rfsgrsgsd ysltissles
edfvdyyclq yssspwtfgg gtleikrtv aapsvfifpp sdeqlksgta
svvcilnnfy preakvqkv dnalqsgnsq esvteqdsd styslsstlt
lskadyekhk vyacevthqg lsspvtksfm rgec
```

Query length: 0/10000

検索結果

ホモロジーアライメントのミスマッチ箇所のハイライト

- ◆ ミスマッチの箇所をハイライトされ、入力した配列とヒットした配列を比較し易くなりました。

Identical Sequence Appears in 2 documents (1 Application + 1 Patent + 0 Unknown).		
STRAND	ALIGNMENT	REVERSE ALIGNMENT
	Query: 1 NDDKLYRADSRPPDEIKSSGGLMPRGSEYFDRGTQM ⁺ INLYDHARGTQTGFVRHDDGYV 60	Query: 193 SRPANGCGPPAHHIWPEERWARHEPPFGALGYGDAAPAI ⁺ DLN ⁺ SYRDRYGRNRHLQEDLV 134
	NDDKLYRADSRPPDEIKSSGGLMPRGSEYFDRGTQM ⁺ INLYDHARGTQTGFVRHDDGYV	+R+NGCGPAHHIWPEERWAHPPFGALYGDAPAI ⁺ LN ⁺ YYRDRYGRNRHLQEDLV
	Sbjct: 1 NDDKLYRADSRPPDEIKSSGGLMPRGHNEYFDRGTQM ⁺ INLYDHARGTQTGFVRHDDGYV 60	Sbjct: 193 TRSSNGCGQPAHHIWPEERWAQHPPFGALRYGDEAPAI ⁺ LN ⁺ YYRDRYGRNRHLQEDLV 134

ホモロジーアラインメントの色設定

- ◆ 相同検索後、アラインメントを確認すると、ミスマッチした箇所をハイライトされますが、その色を変更できます。
- ◆ 手順：Setting > 色変更 > Change

[Documentation](#) [Derwent homepage](#) [News and updates](#) 1

Derwent™ SequenceBase

PROJECTS MY FOLDERS MY QUERIES MONITOR **SETTINGS**

Edit Profile

Time zone: (GMT+00:00) UTC

Preferred date format: March 17, 2021 07:58

Alignment mismatch color: #EE294C

Patent links to: DERWENT INNOVATION

Query parse mode: ☒ SequenceBase ☐ USGENE

Evaluate table view: ☐ Expand all ☒ Color

☒ Enable filters broadly

☒ Save last applied filters

Change

Change default search databases

Select all | Clear all | Expand all | Reset all

☒ ▶ GENESEQ, a Clarivate Analytics brand

☒ ▶ USGENE®

☒ ▶ WOGENE

☐ ▶ GenBank®

Change

ハイライト箇所

POSITIVES	QUERY COVERAGE	DOCUMENTS	FAMILIES	EXPAND ALL	EXPAN
3%	100.00%	21	11	Documents	Hide

known).

REVERSE ALIGNMENT

Query: 213 CEGNFSKTPVSSLGHTVECAVYMKKEYDAKSLTSSL SYTSOKSDQETVSEOSNGS
CEGNFSKTPVSSLGHTVECAVYMKKEYDAKSLTSSL SYTSOKSDQETVSEOSNGS
Sbjct: 214 CEGNFSKTPVSSLGHTVECAVYMKKEYDAKSLTSSL SYTSOKSDQETVSEOSNGS

Query: 153 LANDVWVKAERPYNLLCWSATGSKLQEDPPFIFVSPAADARKLELKTGAGFTP
LANDVWVKAERPYNLLCWSATGSKLQEDPPFIFVSPAADARKLELKTGAGFTP
Sbjct: 154 LANDVWVKAERPYNLLCWSATGSKLQEDPPFIFVSPAADARKLELKTGAGFTP

Query: 94 SSVYQLCYVDFDELSSTILSYDSGSRSGSFRAKPVGSDLSSTAYILRKITGDPGQOL
SSVYQLCYVDFDELSSTILSYDSGSRSGSFRAKPVGSDLSSTAYILRKITGDPGQOL
Sbjct: 94 SSVYQLCYVDFDELSSTILSYDSGSRSGSFRAKPVGSDLSSTAYILRKITGDPGQOL

2

1

3

rgb(237, 40, 76)

214 1080 213 213 1

Query: 121 DEALKSGTASVCLLNFPREAKVWIKVDNALSGNSQESVTERQSKDSTYLSLSTLT 179
DEALKSGTASVCLLNFPREAKVWIKVDNALSGNSQESVTERQSKDSTYLSLSTLT
Sbjct: 121 DEALKSGTASVCLLNFPREAKVWIKVDNALSGNSQESVTERQSKDSTYLSLSTLT 180

検索結果フォルダのカスタマイズ

- ◆ 検索結果に名前を付けてフォルダに保存でき、様々な検索結果を管理し易くなりました。

① 検索後、検索結果をAdd all

② 新規にフォルダを作成する場合はこちら

③ フォルダの作成し、Add

④ 作成したフォルダはMY FOLDERSにあります

⑤ フォルダの確認はProject名を選択し、Folder名を選択します

Derwent SequenceBase

Selected Project: 20210201 (created on: February 1, 2021)

Summary Search Evaluate Documents Reports

Analyze and select for export

Untitled Search SWP Show search parameters

Filters

Add selected Add all

Add results to the folder

Select Folder: default

+ New Folder

Common

General Folder

20210201

default

Add Cancel

Add results to the folder

Create new: 20210208

Add Cancel

Selected Folder: 20210208 (Project: 20210201)

View Folders Compare Folders

Folders ? +

General Folder

Project Folders

20210201

20210208

Showing 1 to 25 of 1,142 entries

	DB	NUMBER	TITLE	SEQUENCES	DOWNLOAD LINKS	EXTERNAL LINKS
☐	GENESEQ FASTAlert	WO2021007428	MOLECULES, COMPOSITIONS AND METHODS FOR TREATMENT OF CANCER	775	XML; ASCII; FASTA (proteins)	DERWENT INNOVATION ESPACE WIPO
☐	GENESEQ FASTAlert	WO2021011681	ANTIBODIES AGAINST HUMAN TREM-1 AND USES THEREOF	323	XML; ASCII; FASTA (nucleotides, proteins or	DERWENT INNOVATION ESPACE WIPO

逆相補鎖カラムの追加

- ◆ 逆相補鎖が検索結果に表示されるようになりました。

☐	SEQUENCE KEY	MOLECULE TYPE	ORGANISM	LENGTH	SCORE	ALIGN % ID	QUERY COVERAGE	E VALUE	DOCUMENTS	FAMILIES	EXPAND ALL	EXPAND ALL
☐	SBNP000SPE03	Protein	Artificial Sequence	120	56	100.00%	100.00%	1.76e-11	2	2	Documents	Hide
Identical Sequence Appears in 2 documents (2 Applications + 0 Patents + 0 Unknown).												
ALIGNMENT LENGTH	SCORE	E VALUE	IDENTITIES	GAPS	STRAND	FRAME	ALIGNMENT			REVERSE ALIGNMENT		
29	56 bits (146)	1.76e-11	29	0	Plus/Minus	-1	Query: 87 EVQLVESGGGLVQPGGSLRLSCAASGFNI 1 EVQLVESGGGLVQPGGSLRLSCAASGFNI Sbjct: 1 EVQLVESGGGLVQPGGSLRLSCAASGFNI 29			Query: 1 INFGSAACSLRLSGGPQVLGGGSEVLQVE 87 INFGSAACSLRLSGGPQVLGGGSEVLQVE Sbjct: 29 INFGSAACSLRLSGGPQVLGGGSEVLQVE 1		

- ◆ 逆相補鎖はエクスポート可能です。

Export as: XLSX Group By: Document

Available fields: 34

☒ Published

☒ Name of the Search

☒ Score

☒ Sequence Description

☒ Organism(s)

☒ Reverse Alignments

☒ Query % ID

☒ Sequence Chain

☒ Filed

☒ Align % ID

☒ Expect

☒ Location

☒ Length

☒ Query Number

☒ Query Coverage

☒ Keywords

☒ Earliest Priority

☒ Subject Coverage

☒ Sequence Number

☒ Matches/Alignments

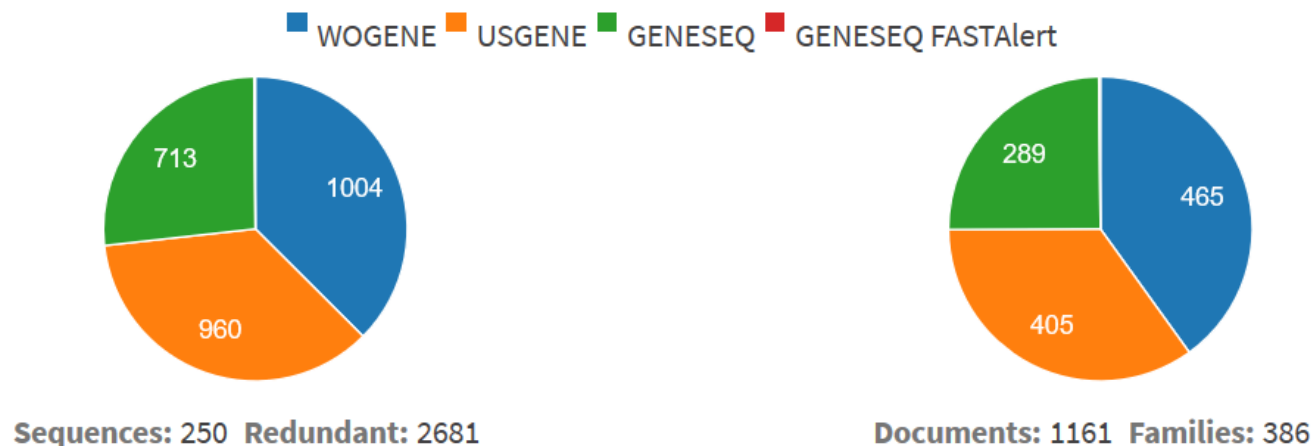
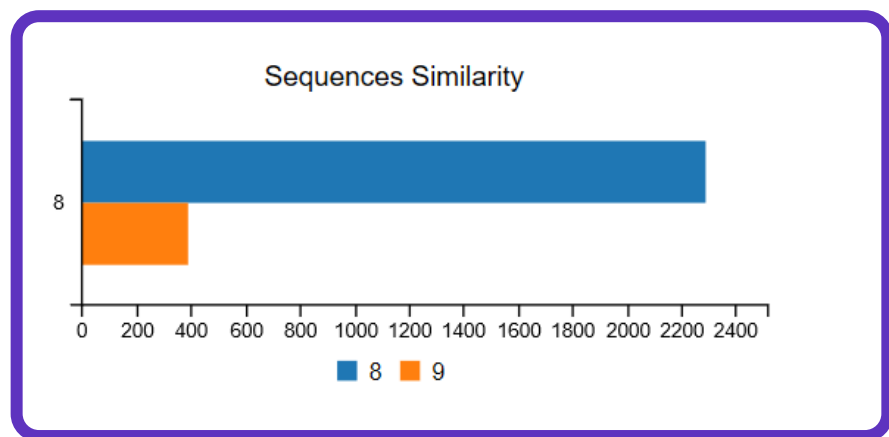
☒ Query

☒ Sequence Key

検索結果のOverviewの強化

- ◆ 検索結果のOverviewにSequence population（配列分布）が追加され、検索の全体像が分かるようになりました。相同性の高い特許がどのくらいの割合でヒットしているのかどうか確認し易くなりました。

Seqs: 250 Redundant: 2681 Docs: 1161 Families: 386 [Details](#)



検索結果に法的状況を表示・フィルタリング

- ◆ 検索結果にパテントファミリー単位（INPADOC・DWPI）の法的状況を表示したり、法的状況で絞り込む（フィルタリング）ことができます。

- ☐ Alive : 有効
- ☐ Dead : 無効
- ☐ Indeterminate : 不確定

Derwent

Selected Projects

Summary

Analyze and

Untitled Search

Filters

Names

INPADOC Status

DWPI Status

Dates

Priority Date

Application Date

Publication Date

Documents

Reports

ers

Select another search

Update res

Show available filters

Reset

Add filter

Title

Add

or

Select saved filter

Add selected

Add all

Export results

Showing 1 to 50 of 1,160 entries

	DB	DWPI STATUS	DOCUMENT	AUTHORITY	FILED	PRIORITY
☐	GENESEQ	Not provided	WO2020227515 A1	WIPO	May 7, 2020	May 7, 2019
☐	WOGENE	Not provided	WO2020227515 A1	WIPO	Not provided	November 12, 2020

Filters

Show available filters

Reset

Add filter

Select Field

Add

or

Select saved filter

DWPI Status:

Equals

Alive

Remove

Apply

Save filter parameters

Add selected

Add all

Export results

Showing 1 to 50 of 845 entries

☐	DB	DWPI STATUS	DOCUMENT	AUTHORITY	FILED	PRIORITY
☐	USGENE	Alive	US20200023076 A1	United States	April 28, 2017	April 29, 2016
☐	USGENE	Alive	US20190298764 A1	United States	May 15, 2019	November 16, 2016

検索後の配列記載箇所によるフィルタの強化（複数選択）

- ◆ Patent Sequence Location（配列記載箇所）によるフィルタでClaim/Disclosure/Example/Not Providedの内、複数を選択できるようになりました。

▼Filters

Show available filters

Reset

Add filter

Patent Sequence Location

Add

or

Select saved filter

Patent Sequence Location:

Equals

2 items selected

Remove

Apply

Save filter parameters

Add selected

Add all

Export results ▼

Select All

Deselect All

Claim

Disclosure

Example

Not Provided

GENESEQ FASTAlertでも配列記載箇所によるフィルタが可能に

- ◆ GENESEQ FASTAlertのレコードに配列記載箇所（Patent sequence location）が追加され、絞り込み（Filter）できるようになりました。

▼Filters

Show available filters

Reset

Add filter

Database

▼

Add

or

Select saved filter

Database:

Equals

▼

GENESEQ FASTAlert

▼

Remove

Patent Sequence Location:

Equals

▼

2 items selected

▼

Remove

Apply

Save filter parameters

Add selected

Add all

Export results ▼

Showing 1 to 10 of 10 entries

Select All

Deselect All

Claim

Disclosure

Example

Not Provided

✓

✓

SEQUENCE NUMBER	LOCATION	EXPAND ALL
US20130305398.21155	Claim 3; SEQ ID NO 21155	More
EP2152891.21155	Claim 3; SEQ ID NO 21155	More

エクスポート

GENESEQ Keywordのエクスポート

- ◆ GENESEQ Keyword をPDF、DOC、XLSXフォーマットでエクスポートできるようになりました。

Export as: XLSX Group By: Document

Available fields: 34

☒ Published	☒ Filed	☒ Earliest Priority
☒ Name of the Search	☒ Align % ID	☒ Subject Coverage
☒ Score	☒ Expect	
Sequence specific		
☒ Sequence Description	☒ Location	☒ Sequence Number
☒ Organism(s)	☒ Length	☒ Matches/Alignments
☒ Reverse Alignments	☒ Query Number	☒ Query
☒ Query % ID	☒ Query Coverage	☒ Sequence Key
☒ Sequence Chain	☒ Keywords	

GENESEQ keywords

統制された語彙に基づいた検索可能なキーワード

PDF形式・ワード形式のレポートにコメント入力

◆ 後で見直す際に備えて、エクスポートするファイルにコメントを残すことができます。

Generate Report

*Report name: Project 1

Templates ▼

The virus that causes COVID-19 is mainly transmitted through droplets generated when an infected person coughs, sneezes, or exhales. These droplets are too heavy to hang in the air, and quickly fall on floors or surfaces.

Export as: PDF

Tester
Project 1

The virus that causes COVID-19 is mainly transmitted through droplets generated when an infected person coughs, sneezes, or exhales. These droplets are too heavy to hang in the air, and quickly fall on floors or surfaces.

PDF形式のレポートの場合

Report Created: March 17, 2021 07:26

Documents: 1

Sequences: 1

Families: 1

Author: SB User

 Clarivate™

21

結果の保存

マイフォルダ (My Folders) の新設

◆ 以前のMy patentsがMy Foldersに変更・強化され、下記の機能が追加されました。

- フォルダ作成、フォルダ名変更、フォルダ削除
- 公報番号publication numberのファイルアップロード
- エクスポート

Derwent™ SequenceBase

PROJECTS **MY FOLDERS** MY QUERIES MONITOR SETTINGS

Selected Folder: General

View Folders Compare Folders

Folders +

General Folder

Project Folders

Select Project ▼

Select Folder ▼

Showing 1 to 25 of 27 entries

☐	DB	NUMBER	TITLE	SEQUENCES	DOWNLOAD LINKS	EXTERNAL LINKS	DATE ADDED
☐	GENESEQ FASTAlert	CN109943567	An exon CRISPR-Cas9-mediated site-directed mutagenesis technique applied in the cell line	16	XML; ASCII; FASTA (nucleotides)	DERWENT INNOVATION; Espacenet	December 15, 2020 10:31
☐	GENESEQ FASTAlert	WO2019136241	POLYNUCLEOTIDES ENCODING ANTI-CHIKUNGUNYA VIRUS ANTIBODIES	147	XML; ASCII; FASTA (nucleotides, proteins or both)	DERWENT INNOVATION; Espacenet; WIPO	December 15, 2020 10:31

検索結果間の演算（AND OR NOT）

The interface is titled 'Compare Folders'. It has two main columns for selection. Each column contains a 'Select Project' dropdown menu and a 'Select Folder' dropdown menu. Between the columns is a central area with three buttons: 'AND', 'OR', and 'NOT'. Below these is a swap button with a double-headed arrow. At the bottom center is a large green 'Compare' button.

- ◆ 別々のフォルダに保存した検索結果を比較できるようになりました。

これにより、

- ✓ 両方の検索結果（フォルダ）にあるdocumentsの特定する（AND）
例えば、Smith watermanの相同性検索の結果とMOTIF検索の結果で比べて、両方に含まれる特許を特定する場合に利用
 - ✓ 比較したいフォルダの少なくとも一つにはあるdocumentsの特定する(OR)
 - ✓ 一方のフォルダにあるdocumentsを検索結果から除く（NOT）
例えば、本日の結果と半年前の結果を比べて、直近半年の期間で追加された配列特許を特定する場合に利用
- などが可能になりました。

- ◆ 比較後に結果はエクスポート可能です。

結果フォルダにアノテーション入力

◆ 検索結果をフォルダに保存する際、アノテーション（注釈）を記入しておく、後で結果を見直す際の参考になります。

Add results to the folder

Folder title: 20210414 Project A

Folder annotation: SW検索 Claimに記載

BackAddCancel

anceBasePROJECTSMY FOLDERS

Selected Folder: 20210414 Project A (Project: 20210402a Annotation: SW検索 Claimに記載)

View FoldersCompare Folders

Folders ? +

General Folder

Project Folders

20210402a ▼

20210414 Project A ▼

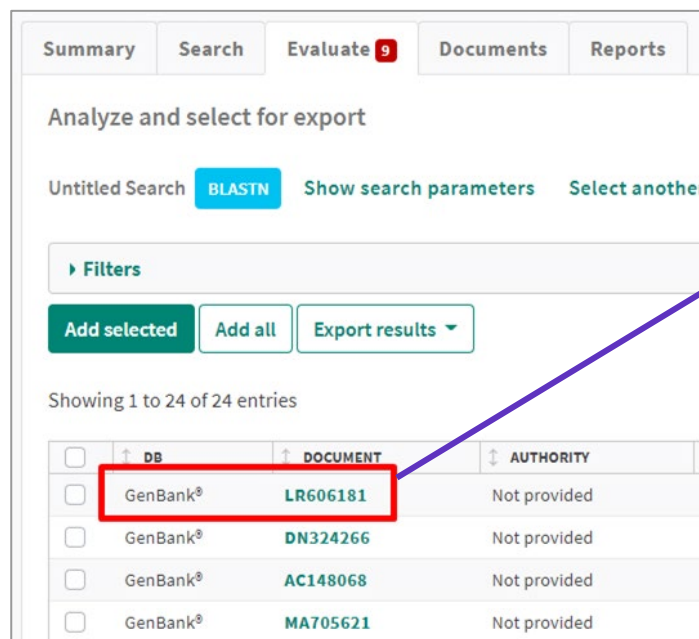
Showing 1 to 25 of 1,160 entries

☐	DB	NUMBER	TITLE	SEQUENCES	DOWNLOAD LINKS	EXTENDED LINK
☐	GENESEQ FASTAlert	WO2021034194	TREATMENT OF CANCER WITH A COMBINATION OF AN ANTIBODY THAT BINDS LGR5 AND EGFR AND A TOPOISOMERASE I INHIBITOR.	57	XML; ASCII; FASTA (nucleotides, proteins or both)	DER INN Esp WIP
			Biocircuit system comprising an effector module comprising a first component and a second		XML; ASCII; FASTA	25 DER

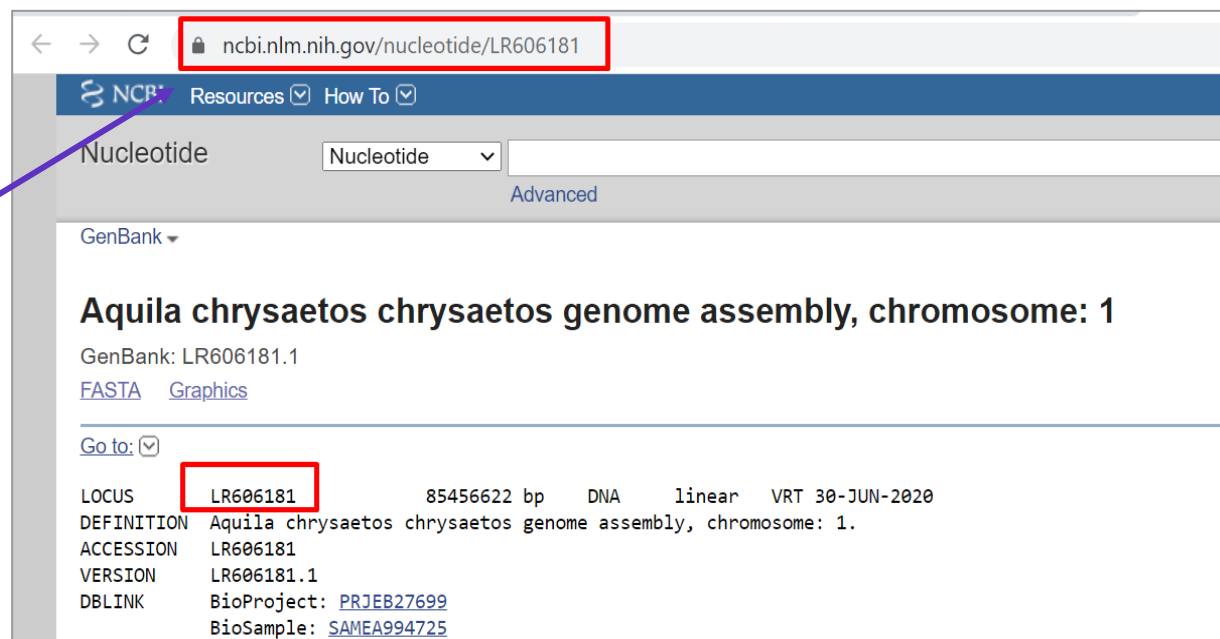
レコード表示

NCBIのGenBankレコードヘリンク

- ◆ NCBIのオリジナルウェブサイトのGenBankレコードヘリンクし、追加情報を確認することが可能です。



Summary Search Evaluate 9 Documents Reports			
Analyze and select for export			
Untitled Search BLASTN Show search parameters Select another			
Filters			
Add selected Add all Export results			
Showing 1 to 24 of 24 entries			
☐	DB	DOCUMENT	AUTHORITY
☐	GenBank®	LR606181	Not provided
☐	GenBank®	DN324266	Not provided
☐	GenBank®	AC148068	Not provided
☐	GenBank®	MA705621	Not provided



ncbi.nlm.nih.gov/nucleotide/LR606181

Nucleotide Nucleotide Advanced

GenBank

Aquila chrysaetos chrysaetos genome assembly, chromosome: 1

GenBank: LR606181.1

[FASTA](#) [Graphics](#)

Go to:

LOCUS LR606181 85456622 bp DNA linear VRT 30-JUN-2020

DEFINITION Aquila chrysaetos chrysaetos genome assembly, chromosome: 1.

ACCESSION LR606181

VERSION LR606181.1

DBLINK BioProject: [PRJEB27699](#)

BioSample: [SAMEA994725](#)

SEQ IDのハイパーリンク

- ◆ SEQ IDにハイパーリンクが付けられており、関連する配列にジャンプできるようになりました。これにより、関連する配列を解読する作業が効率化します。

Derwent [®] SequenceBase			
USGENE [®]			
Sequence number	First << 20190240351.24 >> Last		
Sequence key	First << SBNN000VR6BO >> Last		
Sequence description	Homo sapiens DNA; sequence 24 of 61666		
Sequence location	SEQ ID NO 24		
Title	MODIFIED POLYNUCLEOTIDES FOR THE PRODUCTION OF PROTEINS		
Authority	United States		
Inventor(s)	BANCEL Stephane (Cambridge, MA); CHAKRABORTY Tirtha (Medford, MA); DE FOUGEROLLES Antonin (Waterloo, BE); ELBASHIR Sayda M. (Cambridge, MA); ELLSWORTH Jeff Lynn (Lexington, MA); EJEBE Kenechi (New York, NY); GUILD Justin (Framingham, MA); JOHN Matthias (Cambridge, MA); HATALA Paul (Charlestown, MA); ROY Atanu (Stoneham, MA); SCHRUM Jason P. (Philadelphia, PA); WHORISKEY Susan (Belmont, MA); WOOD Kristy M. (Wellesley, MA)		
Assignee(s)	ModernaTX, Inc. (Cambridge, MA)		
Publication information [More]	US20190240351 A1	2019-08-08	(Download XML, DERWENT INNOVATION , USPTO , Google Patents)
Abstract	The invention relates to compositions and methods for the preparation, manufacture and therapeutic use of polynucleotides, primary transcripts and mmRNA molecules.		
Claims	US20190240351 A1: 1. An isolated polynucleotide comprising: (a) a first region of linked nucleosides, said first region encoding a polypeptide of interest, said polypeptide of interest selected from the group consisting of SEQ ID NOs 8922-17687 ; (b) a first flanking region located at the 5' terminus of said first region comprising: (i) a sequence of linked nucleosides selected from the group consisting of the native 5' UTR of any of the nucleic acids that encode any of SEQ ID NOs 8922-17687 , SEQ ID NOs 1-4 and functional variants thereof; and (ii) at least one 5' terminal cap; (c) a second flanking region located at the 3' terminus of said first region comprising: (i') a sequence of linked nucleosides selected from the group consisting of the native 3' UTR of any of the nucleic acids that encode any of SEQ ID NOs 8922-17687 , SEQ ID NOs 5-21 and functional variants thereof; and (ii') a 3' tailing sequence of linked nucleosides.		

法的状況データ（特許のAlive/Dead）の追加

- ◆ Derwent Innovationの法的状況データ（特許のAlive/Dead） が追加されました。Derwent Innovationにアクセスしなくても、ヒットした特許が有効が無効なのか推定できるようになりました。

Assignee(s)	CELLTRION INC		
Publication information [More]	WO2019045452 A1	2019-03-07	(Download XML, DERWENT INNOVATION, PatentScope)
Patent Status	Alive		
DWPI Legal Status	Alive		
INPADOC Legal Status	Alive		
Cross references	WPI 2019-229546/21		

特許引用データの収録

◆ 特許の被引用特許（Citing Patents）・引用（Cited Patents）を収録しました。被引用特許の数は特許の重要性の判断材料になります。特許引用データは各レコードに表示され、エクスポートも可能です。

Publication information [More]	US20190298764 A1	2019-10-03	(Download XML, DERWENT INNOVATION, USPTO, Google Patents)
Patent Status [More]	Alive		
Citations [Less]	Citing Patents (2), Cited Patents (30)		
Citing Patents	US10765727B2	2020-09-08	Compositions and methods for producing dendritic cells
	US10946080B2	2021-03-16	Compositions and methods for combination therapy with dengue virus and dendritic cells
Cited Patents	US6511667B1	2003-01-28	Attenuated dengue-2 virus vaccine
	US1035755A	1912-08-13	DRAFTSMANS APPARATUS
	US20070065467A1	2007-03-22	Immunostimulatory nucleic acid molecules for activating dendritic cells
	US20070082400A1	2007-04-12	Mature dendritic cell compositions and methods for culturing same
	US20070087015A1	2007-04-19	MULTIVALENT DENGUE VIRUS VACCINE

GENESEQ FASTAlertレコードへ請求項追加

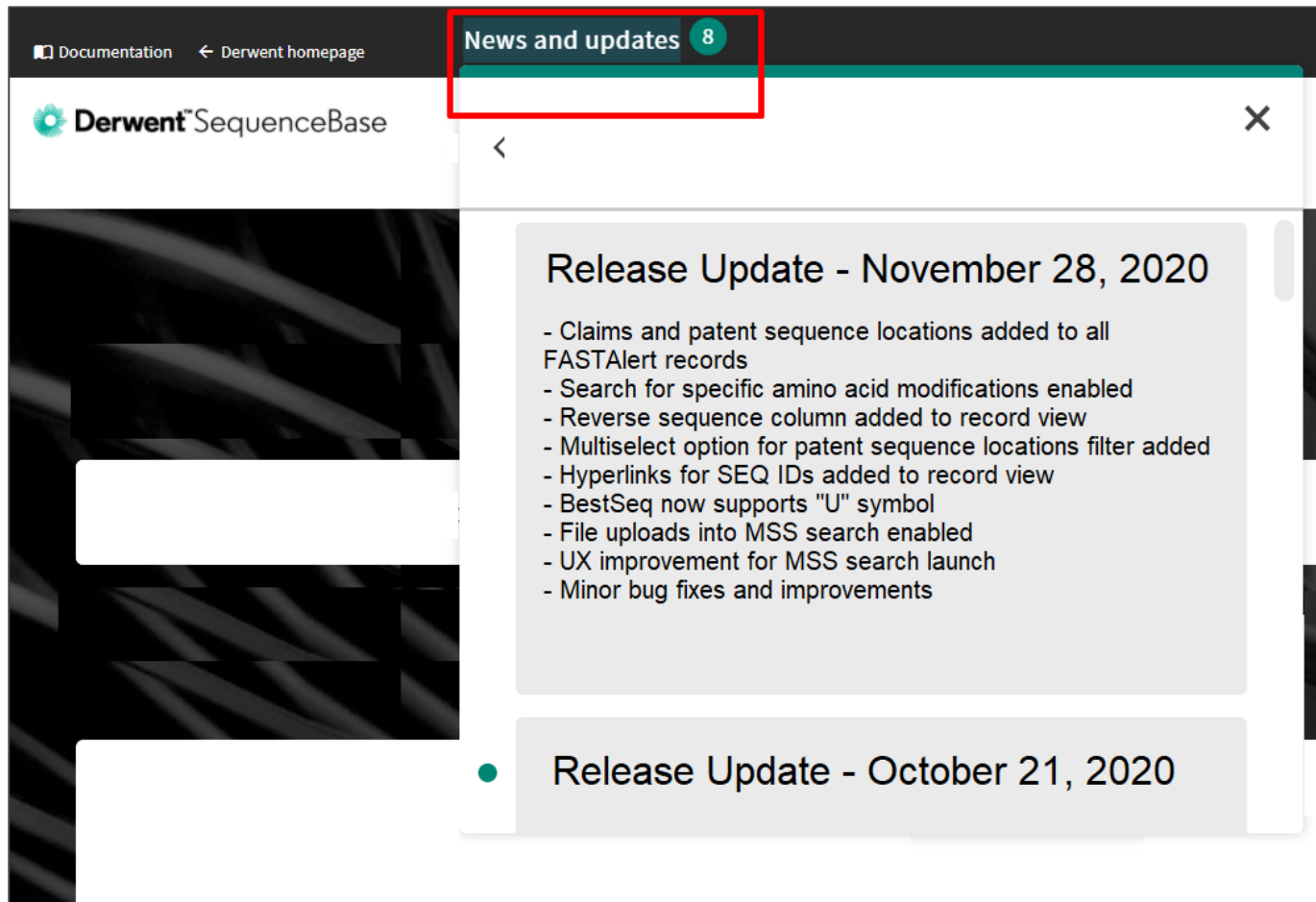
- ◆ GENESEQ FASTAlert のレコードにもオリジナル言語や英訳した請求項が収録されました。

 Derwent [™] SequenceBase		
GENESEQ FASTALERT		
Sequence number	WO2017180587.137362	
Sequence key	SBNN003P6OD0	
Sequence location	SEQ ID NO 137362	
Title	Biocircuit system comprising an effector module comprising a first component and a second component, useful for treating immune disorder, hyperproliferative condition, infectious disease, non-infectious disease and graft versus host disease	
Authority	WIPO	
Assignee(s)	OBSIDIAN THERAPEUTICS INC	
Publication information [More]	WO2017180587 A2	2017-10-19 (Download XML, DERWENT INNOVATION , PatentScope)
Claims	CLAIMS 1. A biocircuit system comprising an effector module, said effector module comprising (a) a first component and a second component wherein each of said first said second component is independently selected from the group consisting of a peptide, peptide complex, peptide-protein complex, protein, fusion protein, protein complex, protein-protein complex, and wherein said first component is a stimulus response element (SRE) comprising (i) one or more regions derived from a payload, said payload having a sequence selected from the group consisting of SEQ ID NO: 1-102450, and 212852-213270; (ii) one or more regions derived from a Target of a ligand binding partner pair listed in Table 2 or Table 3; (iii) one or more regions derived from an antibody listed in Table 5; or (iv) an SRE listed in Table 4, and wherein said second component is a payload construct comprising (i) a payload, said payload having a sequence selected from the group consisting of SEQ ID NO: 1-102450, and 212852-213270 or functional fragment thereof; (ii) a Target of a ligand binding partner pair listed in Table 2, Table 3 or functional fragment thereof; or (iii) an antibody listed in Table 5 or a functional fragment thereof; and wherein said effector module is responsive to at least one stimulus.	

その他

ニュース・アップデートのお知らせ

- ◆ “News and Updates”という最新情報をお伝えする仕組みを設けました。追加情報があると、緑の文字 **8** でお知らせします。





サービス全般に関するお問い合わせ

Tel: 03-4589-3101

〒107-6118 東京都港区赤坂5丁目2番20号
赤坂パークビル18階

カスタマーサービス（ヘルプデスク）

Tel (フリーコール) : 0800-170-5577

Tel : 03-4589-3107

Email: ts.support.jp@clarivate.com

サービス時間：月～金（祝祭日を除く）
午前9時30分～午後5時30分