

GENESEQ™

# 收錄全球生物序列 專利

## 將生物序列專利化繁為簡

GENESEQ™ 可確保您在完整專利佈局中檢索生物序列。

GENESEQ 資料庫經人工編排並由專業人士註解，收錄自 1981 年起全球 56 個專利局登錄的所有生物序列，專利號首碼包括 WO、US、EP、JP、DE、IN、KR 及 CN。

GENESEQ 可從超過 3.65 億個獨特專利中找出超過 1.41 億個生物序列，富含他處無法取得的重要序列資訊。

GENESEQ 不斷收錄新資料，平均每兩週新增 1,200 個內含生物序列的專利。

智慧財產專業人士可以高枕無憂，絕對不會遺漏潛在的專利侵權事件或競爭對手活動，而生物科學家則可減少序列資料的檢索時間，將精力投注在研究與開發。

GENESEQ 包含全球專利內的基因序列，並經由人工註解強調智慧財產背景及生物學上的重要性。若您的組織需要追蹤基因體相關生命科學的最新發展，這個工具就是您的最佳利器。

## 您可以：

找到其他資料庫無法取得的生物序列

- 瞭解全球專利佈局
- 揭露潛在的專利侵權
- 得知競爭者的活動
- 辨識既有技術
- 確定符合自由實施和專利條件
- 快速評估專利內的序列位置及背景

## 受益人士

- 生物資訊專家
- 分子生物學家
- 授權與商業開發專業人士
- 智慧財產專業人士

## 收錄全球即時完整的 註解分析

我們專職的科學編輯團隊會詳實提供下列生物序列專利資訊：

- 長度超過 10 個鹼基的核酸序列
- 長度超過 4 個的胺基酸序列
- 任何長度的連鎖 PCR primer 及探針

獨特之處在於，我們的檢索範圍不侷限於電子申報的生物序列，更包含隱含在各式圖表中「難以搜尋」的序列，助您掌握完整面貌。

除了人工擷取序列，我們的團隊也會添加詳盡註解並編製索引，以確保檢索資料更加精確，並加快檢索結果的瀏覽與排序速度。每筆記錄的完整索引均為英文，不論其在專利內的位置或原始專利文件的語言為何。

註解包括：

- 旨在釐清生物序列新穎性的專屬評論，以及每項發明的實際用途
- 更醒目的專利標題
- 專利文件內的序列位置
- 生物體名稱、基因 / 蛋白質名稱、序列改造，或其他具顯著生物學意義的序列區段及相關疾病資訊
- 標準化的全書目資料
- 專利收錄的 NCBI 及 SWISSPROT、Gene Ontology (GO) 等相同記錄連結

## GENESEQ 對智慧財產專業人士的助益

GENESEQ 可透過人工方式擷取並提供其他序列資料庫或專利局資料庫無法取得的序列資訊。許多生物序列專利缺少電子格式，或者不含機器可讀的序列資訊，因此只能以人工方式擷取這類資訊。GENESEQ 每週擷取的這類序列資料高達 300 萬字元。

手動編制索引可將術語統一，以利迅速將檢索範圍精準縮小至相關疾病、技術或序列本身。您可以檢索專利內的所有序列，不論其位置（圖表、揭露事項、聲明內文等），並取得序列的背景資訊，從而找出關鍵序列。大型專利局均使用 GENESEQ，因此可確定審查人員與您檢驗的資訊一致。

## GENESEQ 對生物科學家的助益

GENESEQ 可讓您瞭解專利內每個序列的背景，快速辨識新的疾病、基因或標靶關聯性及序列改造記錄。標準化用語可輕鬆將 GENESEQ 對應至您組織內部的生物資訊系統。

GENESEQ 包含下列原始序列資料：

- 基因 / 蛋白質疾病關聯性
- 標靶識別
- 生物治療的開發
- 生醫技術的開發
- 基因 / 蛋白質家族富集 (enrichment)

# 56

個核發機關，包括所有 US 同族成員

## 全方位的存取與發佈選項

GENESEQ 提供領導序列檢索與資料管理解決方案，包括：

- GENESEQ on Derwent SequenceBase – 檢索 GENESEQ、GENESEQ FASTAlert 及搭配線上 BLAST 檢索的 USPTO 序列資料庫（「USGene」）。
- 分析 56 個專利局的整體專利檢索結果，包括所有 US 同族成員
- GENESEQ on GenomeQuest – 在 GQ-Pat 的相同網路平台上檢索 GENESEQ
- DGENE on STN International – 適合進階資訊檢索人員使用
- GENESEQ 亦可授權納入公司內部資訊系統使用。每兩週經由 FTP 傳送 EMBLlike 扁平格式檔案。

## GENESEQ FASTAlert

另一個選擇則是搭配資料庫 GENESEQ FASTAlert 快速檢索新的序列，並在每週二和週四以滾動式 FASTA 資料庫格式發布。GENESEQ FASTAlert 可由 SequenceBase 取得，或授權納入公司內部系統使用。