

GENESEQ™

全球生物序列专利数据库

将生物序列检索化繁为简

GENESEQ™ 为生物序列检索的全面及准确性保驾护航

GENESEQ 是一款人工深加工的生物序列专利数据库, 录入的数据均经过专家批注。它收录自 1981 年起全球 56 个国家/地区专利颁发机构的所有生物序列相关专利, 包括 WO、US、EP、JP、DE、IN、KR 及 CN 等。

GENESEQ 拥有超过 1.91 亿个生物序列, 来自美国 23.2 万多件专利文本, 包含大量他处无法获得的重要序列信息。

GENESEQ 数据全面, 更新及时, 平均每两周新增 1,200 份生物序列相关专利。

全面、可信的数据助力知识产权及生物技术专家高效检索和解读专利, 使您有更多的精力专注于研发新技术, 或判断技术的可专利性、识别潜在侵权风险及追踪竞争对手动态等工作。

GENESEQ 收录全球范围内专利中的基因序列数据，人工深加工字段重点标识了专利中每条序列记载的位置及其生物学意义。如果您需要追踪基因相关生命科学的最新进展，它将成为您的最佳利器。

您可以：

找到其他数据库无法检索到的生物序列

- 了解全球专利布局
- 识别潜在侵权风险
- 追踪竞争对手动态
- 发掘现有技术
- 高效的实施自由实施检索和可专利性检索
- 快速定位序列在文本中的位置、分析上下文

适宜人群

- 生物信息学家
- 分子生物学家
- 许可和BD专家
- 知识产权专家

实时、全面且经过人工编辑的数据

我们专职的科学编辑团队会客观、全面地提供专利中生物序列的相关信息，包括：

- 长度为 10 个或10个以上碱基的核酸序列
- 长度为 4 个或4个以上残基的氨基酸序列
- 任意长度的PCR 引物及探针

GENESEQ的独特之处在于，其收录的序列不局限于电子序列表中记载的数据，更包含隐藏在各式图表中，常规检索方式难以搜寻到的序列，帮助您掌握数据真正完整的面貌。

GENESEQ 专家编辑团队通读专利后，重新撰写摘要，厘清并说明专利中相关序列的创新之处以及特定序列的用途，以使检索数据更加精确，同时可以提高检索结果的浏览效率。无论原始专利文件为何种语言，GENESEQ中每条记录的完整索引均用英文呈现，为您扫除语言障碍。

呈现内容包括：

- 专家重新撰写的标题，帮助您快速了解专利的主题、用途和创新之处
- 专利文件中序列的具体记载位置
- 序列的生物来源、基因/蛋白质名称、序列修饰、其他具显著生物学意义的序列区段及相关疾病等详细信息
- 详实且标准化的著录项目信息
- 当专利中记载的序列信息来自NCBI、SWISSPROT及Gene Ontology (GO)时，会提供指向原始记录的链接

GENESEQ助力知识产权专家

GENESEQ 通过人工方式获取并提供其他序列数据库或专利局数据库无法取得的序列信息。许多生物序列专利缺少电子格式，或不合机器可读的序列信息（例如在附图或表格中），因此只能以人工方式撷取这类信息。GENESEQ 每周撷取的这类序列数据高达 300 万字符。

专家人工编制的索引，可以用来迅速将检索范围精准缩小至相关疾病、技术或序列本身。出现在专利任何位置的序列（权利要求、附图、表格或说明书），您都可以通过GENESEQ进行有效的检索，并进一步通过索引快速取得序列的背景信息。USPTO、EPO等大型专利局均使用GENESEQ，您将拥有审查员同款检索资源。

GENESEQ赋能生物学专家

GENESEQ 可辅助您快速了解专利内每个序列的背景信息，辨识疾病、基因或靶点关联性及其序列修饰记录。专家在阅读专利后总结的备注，均使用标准化技术语言而非专利用语，使非专利专家也能快速、系统的阅读专利。

GENESEQ 包含的序列信息可以帮您：

- 发掘基因/蛋白质与疾病的关联性
- 识别靶点
- 辅助生物疗法创新
- 辅助生物医学技术创新
- 扩展基因/蛋白家族

56

个国家/地区专利颁发机构数据覆盖

多种访问方式自主选择

GENESEQ 提供业界领先的序列检索与数据管理解决方案，包括：

- Derwent SequenceBase 基因序列检索平台 – 是一款专为序列检索设计的检索、分析和报告平台。可搭载 GENESEQ、GENESEQ FASTAlert 等数据，具有 BLAST、Smith-Waterman及MOTIF等多种序列检索算法。Derwent SequenceBase同时还搭载来自US、WO、JP、KR、EP等国生物序列相关的全部专利数据
- GenomeQuest – 该平台可搭载GENESEQ数据并进行检索和分析
- STN – 该平台可搭载GENESEQ数据，适合专项开展信息检索的人员使用
- GENESEQ 还可以通过授权方式将数据接入公司内部信息系统使用。授权开通后，EMBLlike 平面文件每两周通过 FTP 传送

GENESEQ FASTAlert

另外您可以选择搭配GENESEQ FASTAlert 数据库。该数据库每周二和周四滚动更新数据，其优势在于可提供最新的原始序列信息。GENESEQ FASTAlert 可搭载在 SequenceBase 检索平台，或通过授权方式将数据接入公司内部信息系统。

科睿唯安中国办公室

北京海淀区科学院南路2号融科资讯中心C座北楼610单元

邮编: 100190

电话: +86-10 57601200

传真: +86-10 82862088

邮箱: info.china@clarivate.com

网站: clarivate.com.cn



欢迎关注微信公众号