

MetaCore : Cortellis 解決方案

分析分子路徑 並加速探索研究

瞭解一般表型、
疾病現況和藥物的
潛在影響

藥物開發要成功，必須瞭解藥物的分子層級對疾病的影響，需要大量的資料收集和分析資源。Cortellis 解決方案 MetaCore 賦予科學生命，提供高品質的生物系統內容：



100% 經人工編排和驗證的資料和途徑



一次進行多組學分析和全面知識探勘



以機轉、方向性和作用定義的分子交互作用



基因變異資料完全整合

避免藥物開發失敗， 加速科學研究

強大的資料



2M+
具有方向性、機轉和作用的分子交互作用



1,500+
涵蓋調節、疾病、代謝和毒性特徵的途徑圖



1,100+
經人工編排、驗證的網絡



2.5M+
出版品參考資料

專家團隊



涵蓋生物資訊學、系統生物學等領域的科學專業



具有 25 年以上經驗的博士和醫學博士研究專業人員

治療專業

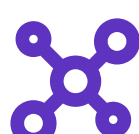
9.6K+
疾病

182K+
基因疾病關聯性

這些見解可應用於：



腫瘤學



免疫學



疫苗



呼吸道



風濕病學



內分泌學



心血管



中樞神經系統

「生物學家……幾乎每天都在使用 [MetaCore]……進行分析，讓生物資訊學家能夠專注投入其他計畫。」

Fiocruz 資深研究員



洞悉資料中的隱藏見解

使用來自同儕審查文獻、100% 經人工編排的生物途徑資料，快速產生並驗證新型生物標記、標靶和作用機轉的假設。MetaCore 可幫助您針對先前的研究，對多組學資料進行精密的整合路徑和網絡分析。將您的資料與類似的研究進行比較，找出哪些標靶和藥物最有可能獲得成功。

隨時隨地運用資料的力量

從最適合團隊需求的各種選項中選擇：



基本分析

利用 MetaCore 的易用功能進行精確的路徑分析，探勘資料、產生深入的生物資訊學見解，並建立資訊豐富的視覺化內容。將 MetaCore 產生的見解應用於您的探索工作，讓您的研究從第一天起就邁向成功。



複雜的分析和資料探勘

您可以使用提供簡化功能的 R 指令碼套件直接程式化存取整個資料庫，檢索和過濾內容、調整分子網絡、建立子網絡，並執行適用於許多組學資料類型的功能分析指令碼。



託管或佈建選項

直接傳送資料或使用科睿唯安所託管靈活、安全及維護的環境，為您的生物資訊學團隊提供程式化存取權限，利用自訂內容、整合自有資料集和客製化分析技術。

高品質資料定期更新，保證您隨時取得最新資訊。

做出更好的決策並加速創新

立刻聯絡我們或瀏覽 clarivate.com/cortellis，以瞭解 MetaCore 如何加速組織創新

在研發生命週期全程中存取整合的可信情報

利用 Cortellis 的生命科學情報解決方案，可在藥物和器材開發生命週期中迅速果斷做出資料導向的決策，包括根據您的特定需求提供的自訂諮詢和服務。只有 Cortellis 有把握提供加速創新所需的見解。

研發生命週期



發現與臨床前開發

臨床開發和法規遵循

產品組合策略和業務發展

學名藥策略和開發

資料 | 解析 | 諮詢 | 服務